

Séparateurs Algébriques dans la Bio-systémique

Annick Valibouze and Ines Abdeljaoued and Alia Ben Kahla

Paris VI - ESSAI -IPT

**Colloque franco-tunisien de Mathématiques
Monastir 2009.**



Table des matières

- 1 Introduction à l'Ingénierie Inversée
 - Interpolation
 - Base de Gröbner et Idéal de Variété
- 2 Séparateurs Algébriques
 - Modules fondamentaux
 - Séparateurs algébriques
- 3 Système Dynamique Booléen
- 4 Séparateurs algébriques optimaux
 - Exemple
 - Séparateurs Affines



Système Dynamique Polynomial (SDP)

Definition

Soit k un corps fini (ensemble d'états). Un SDP de n noeuds est une fonction

$$F = (f_1, \dots, f_n) : k^n \mapsto k^n$$

où $f_j : k^n \mapsto k$ est appelée **fonction de transition** associée au noeud j .



Série chronologique - Définitions

Soient $s = (s_1, \dots, s_n) \in k^n, t = (t_1, \dots, t_n) \in k^n$.

- Si $F(s) = t$ alors (s, t) est un **état de transition** de F .
On note :

$$s \mapsto t.$$

- Une séquence $s_1 \mapsto \dots \mapsto s_m$ d'états de transitions est appelée **trajectoire discrète de longueur m** .

Si $s_1 = s_m$ alors la trajectoire est un **cycle** de longueur m .

Si $m = 1$ alors on parle de **point fixe**.



Série chronologique - Définitions

Soient $s = (s_1, \dots, s_n) \in k^n, t = (t_1, \dots, t_n) \in k^n$.

- Si $F(s) = t$ alors (s, t) est un **état de transition** de F .
On note :

$$s \mapsto t.$$

- Une séquence $s_1 \mapsto \dots \mapsto s_m$ d'états de transitions est appelée **trajectoire discrète de longueur m** .

Si $s_1 = s_m$ alors la trajectoire est un **cycle** de longueur m .

Si $m = 1$ alors on parle de **point fixe**.



Série chronologique - Définitions

Soient $s = (s_1, \dots, s_n) \in k^n, t = (t_1, \dots, t_n) \in k^n$.

- Si $F(s) = t$ alors (s, t) est un **état de transition** de F .
On note :

$$s \mapsto t.$$

- Une séquence $s_1 \mapsto \dots \mapsto s_m$ d'états de transitions est appelée **trajectoire discrète de longueur m** .

Si $s_1 = s_m$ alors la trajectoire est un **cycle** de longueur m .

Si $m = 1$ alors on parle de **point fixe**.



Série chronologique - Définitions

Soient $s = (s_1, \dots, s_n) \in k^n, t = (t_1, \dots, t_n) \in k^n$.

- Si $F(s) = t$ alors (s, t) est un **état de transition** de F .
On note :

$$s \mapsto t.$$

- Une séquence $s_1 \mapsto \dots \mapsto s_m$ d'états de transitions est appelée **trajectoire discrète de longueur m** .

Si $s_1 = s_m$ alors la trajectoire est un **cycle** de longueur m .

Si $m = 1$ alors on parle de **point fixe**.



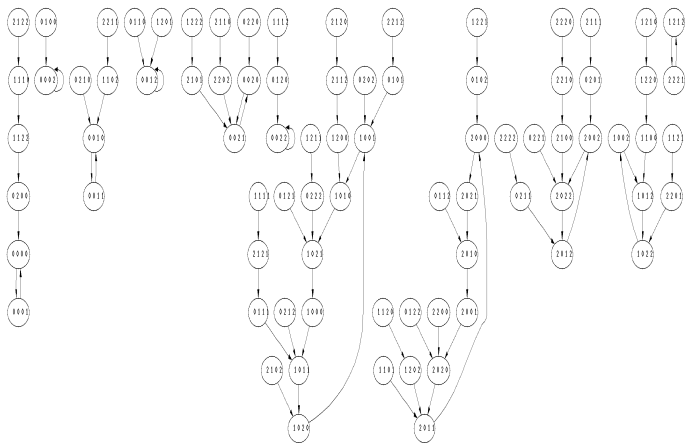


FIGURE: Graphe des états de transition $S(F)$ pour $n = 4$ et $k = \mathbb{Z}/3\mathbb{Z}$.



Table des matières

- 1 Introduction à l'Ingénierie Inversée
 - Interpolation
 - Base de Gröbner et Idéal de Variété
- 2 Séparateurs Algébriques
 - Modules fondamentaux
 - Séparateurs algébriques
- 3 Système Dynamique Booléen
- 4 Séparateurs algébriques optimaux
 - Exemple
 - Séparateurs Affines



Ingénierie Inversée - Problématique

Soient k un corps fini et

$V = \{\mathbf{s}_1, \dots, \mathbf{s}_m \mid \mathbf{s}_i \in k^n, 1 \leq i \leq m\}$ une trajectoire de longueur m représentant des données d'un réseau biochimique de n noeuds :

- Trouver $F = (f_1, \dots, f_n) : k^n \mapsto k^n$ tel que $F(\mathbf{s}_i) = \mathbf{s}_{i+1}$ pour i entre 1 et $m - 1$.

$$\Rightarrow 1 \leq j \leq n \quad f_j : k^n \rightarrow k$$

$$\mathbf{s}_i \mapsto f_j(\mathbf{s}_i) = \mathbf{s}_{i+1,j} \quad \text{pour } 1 \leq i \leq m-1$$

Ingénierie Inversée - Problématique

Soient k un corps fini et

$V = \{\mathbf{s}_1, \dots, \mathbf{s}_m \mid \mathbf{s}_i \in k^n, 1 \leq i \leq m\}$ une trajectoire de longueur m représentant des données d'un réseau biochimique de n noeuds :

- Trouver $F = (f_1, \dots, f_n) : k^n \mapsto k^n$ tel que $F(\mathbf{s}_i) = \mathbf{s}_{i+1}$ pour i entre 1 et $m - 1$.

$$\Rightarrow 1 \leq j \leq n \quad f_j : k^n \rightarrow k$$

$$\mathbf{s}_i \mapsto f_j(\mathbf{s}_i) = \mathbf{s}_{i+1,j} \quad \text{pour } 1 \leq i \leq m-1$$

Ingénierie Inversée - Problématique

Soient k un corps fini et

$V = \{\mathbf{s}_1, \dots, \mathbf{s}_m \mid \mathbf{s}_i \in k^n, 1 \leq i \leq m\}$ une trajectoire de longueur m représentant des données d'un réseau biochimique de n noeuds :

- Trouver $F = (f_1, \dots, f_n) : k^n \mapsto k^n$ tel que $F(\mathbf{s}_i) = \mathbf{s}_{i+1}$ pour i entre 1 et $m - 1$.

$$\Rightarrow 1 \leq j \leq n \quad f_j : k^n \rightarrow k$$

$$\mathbf{s}_i \mapsto f_j(\mathbf{s}_i) = \mathbf{s}_{i+1,j} \quad \text{pour } 1 \leq i \leq m-1$$

Ingénierie Inversée - Solution

- Soit k un corps fini. Toute collection de points de k est une variété affine. Tout ensemble de polynômes de $k[x_1, \dots, x_n]$ qui s'annulent en ces points a une structure algébrique d'un idéal.

⇒ $\{g \in k[x_1, \dots, x_n] : g(\mathbf{s}_i) = 0, \forall i \in [1, m-1]\}$ est l'idéal de la variété affine $\{\mathbf{s}_1, \dots, \mathbf{s}_{m-1}\}$.



Ingénierie Inversée - Solution

- Soit k un corps fini. Toute collection de points de k est une variété affine. Tout ensemble de polynômes de $k[x_1, \dots, x_n]$ qui s'annulent en ces points a une structure algébrique d'un idéal.

$\Rightarrow \{g \in k[x_1, \dots, x_n] : g(\mathbf{s}_i) = 0, \forall i \in [1, m-1]\}$ est l'idéal de la variété affine $\{\mathbf{s}_1, \dots, \mathbf{s}_{m-1}\}$.



Interpolation

Chercher F tel que $F(\mathbf{s}_i) = \mathbf{s}_{i+1}$ revient à

- Trouver $f_1, \dots, f_n : k^n \mapsto k$ simultanément avec $f_j(\mathbf{s}_i) = \mathbf{s}_{i+1,j}$ pour tout $1 \leq i \leq m-1$ et $1 \leq j \leq n$.

⇒ Il suffit de trouver un polynôme f_j de $k[x_1, \dots, x_n]$ tel que

$$f_j(\mathbf{s}_i) = \mathbf{s}_{i+1,j}$$

pour tout $1 \leq i \leq m-1$ et $1 \leq j \leq n$.



Interpolation

Chercher F tel que $F(\mathbf{s}_i) = \mathbf{s}_{i+1}$ revient à

- Trouver $f_1, \dots, f_n : k^n \mapsto k$ simultanément avec $f_j(\mathbf{s}_i) = \mathbf{s}_{i+1,j}$ pour tout $1 \leq i \leq m-1$ et $1 \leq j \leq n$.

⇒ Il suffit de trouver un **polynôme f_j** de $k[x_1, \dots, x_n]$ tel que

$$f_j(\mathbf{s}_i) = \mathbf{s}_{i+1,j}$$

pour tout $1 \leq i \leq m-1$ et $1 \leq j \leq n$.



Une solution possible est donnée par :

$$f_j(x_1, \dots, x_n) = \sum_{i=1}^{m-1} \mathbf{s}_{i+1,j} r_i(x_1, \dots, x_n)$$

où les $r_i(x_1, \dots, x_n)$ sont des polynômes **séparateurs** associés à V : $r_i(\mathbf{s}_i) = 1$ et $r_i(\mathbf{s}_j) = 0$ pour tout $\mathbf{s}_j \in V$ et $1 \leq i \leq m - 1$.



TABLE: Evolution de la concentration de 3 protéines dans le temps

Code protéine	6348	5606	5601
concentration à 0h	19204,3	7258,53	1456,75
concentration à 3h	30590,7	13993,1	1254,47
concentration à 6h	21466,9	9777,97	1407,16
concentration à 12h	13859	7897,34	1663,16
concentration à 24h	6506,74	6250,73	1841,73



TABLE: Exemple de discrétisation avec $n = 3$, $m = 5$ et $p = 5$

Code protéine	1 6348	2 5606	3 5601	
0h	2	1	2	← s₁
3h	4	4	0	← s₂
6h	3	3	1	← s₃
12h	1	2	3	← s₄
24h	0	0	4	← s₅
	↑ <i>t₁</i>	↑ <i>t₂</i>	↑ <i>t₃</i>	



Base de Gröbner et Idéal de la Variété V

Supposons $f, g : k^n \mapsto k$ tels que $\forall \mathbf{s}_i \in V$:
 $f(\mathbf{s}_i) = g(\mathbf{s}_i) = \mathbf{s}_{i+1,j}$.

$$\text{Alors } \begin{cases} (f - g)(\mathbf{s}_i) = 0 & \text{avec } 1 \leq i \leq m - 1 & \text{et} \\ g = f - h & \text{avec } h = f - g. \end{cases}$$

Si nous connaissons f alors g s'écrit sous la forme d'une somme de f et d'un polynôme h s'annulant en $\mathbf{s}_1, \dots, \mathbf{s}_{m-1}$.



Base de Gröbner et Idéal de la Variété V

Supposons $f, g : k^n \mapsto k$ tels que $\forall \mathbf{s}_i \in V$:
 $f(\mathbf{s}_i) = g(\mathbf{s}_i) = \mathbf{s}_{i+1,j}$.

$$\text{Alors } \begin{cases} (f - g)(\mathbf{s}_i) = 0 & \text{avec } 1 \leq i \leq m - 1 & \text{et} \\ g = f - h & \text{avec } h = f - g. \end{cases}$$

Si nous connaissons f alors g s'écrit sous la forme d'une somme de f et d'un polynôme h s'annulant en $\mathbf{s}_1, \dots, \mathbf{s}_{m-1}$.



Algorithme de Buchberger-Möller

Entrée : Une variété V , un ordre sur les termes $>$

Objectifs : 1) Calculer une base de Gröbner de $I(V)$
par rapport à $>$,

2) Calculer les **séparateurs** de V .

- Complexité de BM : $O(nm^3 + n^2m^3)$.
- Logiciel : Macaulay2, Cocoa, etc.



Algorithme de Buchberger-Möller

Entrée : Une variété V , un ordre sur les termes $>$

Objectifs : 1) Calculer une base de Gröbner de $I(V)$
par rapport à $>$,

2) Calculer les **séparateurs** de V .

- Complexité de BM : $O(nm^3 + n^2m^3)$.
- Logiciel : Macaulay2, Cocoa, etc.



Algorithme de Buchberger-Möller

Entrée : Une variété V , un ordre sur les termes $>$

Objectifs : 1) Calculer une base de Gröbner de $I(V)$
par rapport à $>$,

2) Calculer les **séparateurs** de V .

- Complexité de BM : $O(nm^3 + n^2m^3)$.
- Logiciel : Macaulay2, Cocoa, etc.



Table des matières

- 1 Introduction à l'Ingénierie Inversée
 - Interpolation
 - Base de Gröbner et Idéal de Variété
- 2 **Séparateurs Algébriques**
 - Modules fondamentaux
 - Séparateurs algébriques
- 3 Système Dynamique Booléen
- 4 Séparateurs algébriques optimaux
 - Exemple
 - Séparateurs Affines



Introduction

Soient $k = \mathbb{Z}/p\mathbb{Z}$, $\mathcal{E} = k^n$ l'ensemble des p^n états et $\mathbf{s} = (s_1, \dots, s_n) \in \mathcal{E}$.

L'idéal maximal $\mathfrak{M}_{\mathbf{s}}$ de $k[x_1, \dots, x_n]$ des \mathbf{s} -relations est engendré par $\mathbf{p} = \{p_1, \dots, p_n\}$:

$$p_1 = x_1 - s_1, \dots, p_n = x_n - s_n$$

appelés par N. Tchebotarev les *modules fondamentaux* de \mathbf{s} .



Ils satisfont pour tout $\mathbf{t} \in \mathcal{E}$:

$$\forall j \in [1, n] \quad p_j(\mathbf{t}) = 0 \quad \Leftrightarrow \quad \mathbf{t} = \mathbf{s} \quad . \quad (1)$$

La variété de $\mathfrak{M}_{\mathbf{s}}$ est réduite au seul élément \mathbf{s} .



Definition

Soit $V = \{\mathbf{s}_1, \dots, \mathbf{s}_m\}$ un sous-ensemble de \mathcal{E} représentant une trajectoire. Un polynôme $r(\mathbf{x})$ appartenant à $k[x_1, \dots, x_n]$ qui vaut 1 en $\mathbf{x} = \mathbf{s}$ et 0 en les autres éléments de V est appelé un (polynôme) **séparateur** de \mathbf{s} dans V .



Definition

- Soit J , l'ensemble des indices j pour lesquels tous les éléments de V possèdent la même j -ième coordonnée :

$$J := \{j \in \{1, \dots, n\} \mid \forall l \in [1, m] \quad s_{l,j} = s_{1,j}\} \quad ;$$

sur les coordonnées indicées par j aucune séparation ne sera possible.

- Fixons $S := \{1, \dots, n\} \setminus J$, le sous-ensemble minimal $\{1, \dots, n\}$ séparant les éléments V ; nous l'appellerons l'**ensemble séparateur** de V .



Definition

- Soit J , l'ensemble des indices j pour lesquels tous les éléments de V possèdent la même j -ième coordonnée :

$$J := \{j \in \{1, \dots, n\} \mid \forall l \in [1, m] \quad s_{l,j} = s_{1,j}\} \quad ;$$

sur les coordonnées indicées par j aucune séparation ne sera possible.

- Fixons $S := \{1, \dots, n\} \setminus J$, le sous-ensemble minimal $\{1, \dots, n\}$ séparant les éléments V ; nous l'appellerons l'**ensemble séparateur** de V .



Theorem

Soit le polynôme

$$g(\mathbf{x}) = \prod_{j \in S} \prod_{l \in E} (p_j(\mathbf{x}) - l)$$

où S est l'ensemble séparateur de V et E l'ensemble des valeurs non nulles prises par les points de V en les polynômes engendrant l'idéal des \mathbf{s} -relations (hormis ceux inutiles à la séparation) :

$$E = \{p_j(\mathbf{t}) \mid j \in S ; p_j(\mathbf{t}) \neq 0 ; \mathbf{t} \in V\} \subset \{1, \dots, p-1\} .$$

Alors le polynôme

$$r(\mathbf{x}) := \frac{g(\mathbf{x})}{g(\mathbf{s})}$$

Démonstration.

Nous avons $g(\mathbf{s}) \neq 0$ et donc $r(\mathbf{s}) = 1$. En effet, pour tout $j \in S$ et $l \in E$, $p_j(\mathbf{s}) - l = -l \neq 0$ et, l'entier p étant premier, tout produit $\prod_{l \in E} -l$ ne peut s'annuler dans k puisque $E \subset \{1, \dots, p-1\}$. Soit maintenant $\mathbf{t} \in V \setminus \{\mathbf{s}\}$, alors il existe $j \in [1, n]$ tel que $p_j(\mathbf{t}) \neq 0$; par définition de E , $l = p_j(\mathbf{t}) \in E$; puisque le facteur $p_j(\mathbf{x}) - l$ de g s'annule en $\mathbf{x} = \mathbf{t}$, nous parvenons à l'identité $r(\mathbf{t}) = g(\mathbf{t}) = 0$; ce qui termine la démonstration.



Table des matières

- 1 Introduction à l'Ingénierie Inversée
 - Interpolation
 - Base de Gröbner et Idéal de Variété
- 2 Séparateurs Algébriques
 - Modules fondamentaux
 - Séparateurs algébriques
- 3 **Système Dynamique Booléen**
- 4 Séparateurs algébriques optimaux
 - Exemple
 - Séparateurs Affines



Supposons, pour simplifier, que l'ensemble séparateur S de V est $\{1, \dots, n\}$. Dans le cas $p = 2$, E est réduit à $\{1\}$ et les séparateurs sont sous une forme plus compacte :
Soient les polynômes de $k[x_1, \dots, x_n]$ donnés par

$$q = \sum_{r=1}^n e_r(\mathbf{p}) \quad \text{et}$$
$$r = q + 1$$

où $e_1(\mathbf{p}), \dots, e_n(\mathbf{p})$ sont les fonctions symétriques élémentaires en les éléments de $\mathbf{p} = (p_1, \dots, p_n)$.



Alors pour tout $\mathbf{t} \in \mathcal{E}$

$$q(\mathbf{t}) = 0 \Leftrightarrow \mathbf{t} = \mathbf{s}$$

$$r(\mathbf{t}) = 0 \Leftrightarrow \mathbf{t} \neq \mathbf{s} .$$

En particulier, $q(\mathbf{t}) = 1 \quad \forall \mathbf{t} \neq \mathbf{s}$ et $r(\mathbf{s}) = 0$. Pour constater ces propriétés sur q et r , considérons le polynôme g univarié en y , à coefficients dans $k[x_1, \dots, x_n]$ dont les racines sont les modules fondamentaux, s'exprimant ainsi :

$$g(y)(\mathbf{x}) = \prod_{j=1}^n (y - p_j(\mathbf{x})) .$$



Pour tout $t \in \mathcal{E}$, nous avons la suite d'équivalences :

$$g(1)(t) = 0 \Leftrightarrow \exists j \in [1, n] : p_j(t) = 1 \Leftrightarrow t \neq \mathbf{s} .$$

Donc $g(1)$ est un polynôme séparateur pour \mathbf{s} dans \mathcal{E} . Par ailleurs, d'après l'identité suivante sur les coefficients des polynômes univariés :

$$g(y) = y^n - e_1(\mathbf{p}) \cdot y^{n-1} + e_2(\mathbf{p}) \cdot y^{n-2} \dots + (-1)^n \cdot e_n(\mathbf{p}) ,$$

nous avons $r = g(1) = q + 1$ dans $\mathbb{Z}/2\mathbb{Z}$.



Exemple

Soient $m = 3$, $\mathbf{s}_1 = (0, 1, 1)$, $\mathbf{s}_2 = (1, 1, 0)$ et $\mathbf{s}_3 = (0, 1, 1)$. Les ensembles de module fondamentaux associés à chaque état \mathbf{s}_i étant noté \mathbf{p}_i , nous obtenons :

$$\mathbf{p}_1 = \{x_1, x_2 + 1, x_3 + 1\} \quad \text{et} \quad \mathbf{p}_2 = \{x_1 + 1, x_2 + 1, x_3\}.$$

Les fonctions symétriques élémentaires de \mathbf{p}_1 sont :

$e_1(\mathbf{p}_1) = x_1 + x_2 + x_3$, $e_2(\mathbf{p}_1) = x_1x_2 + x_1x_3 + x_2x_3 + x_2 + x_3 + 1$
 et $e_3(\mathbf{p}_1) = x_1x_2x_3 + x_1x_2 + x_1x_3 + x_1$; donc le séparateur de \mathbf{s}_1 est

$$r_1(x_1, x_2, x_3) = x_1x_2x_3 + x_2x_3$$

De même, nous trouvons le séparateur r_2 de \mathbf{s}_2 :

$$r_2(x_1, x_2, x_3) = x_1x_2x_3 + x_1x_2 \quad .$$



Pour $t_1 = (1, 0)$, $t_2 = (1, 1)$ et $t_3 = (0, 1)$, nous obtenons
 $f_1 = r_1$, $f_2 = r_1 + r_2$ et $f_3 = r_2$. Ainsi, $f = (f_1, f_2, f_3)$ est définie par :

$$f_1 = x_1 x_2 x_3 + x_2 x_3 \quad , \quad f_2 = x_1 x_2 + x_2 x_3 \quad \text{et} \quad f_3 = x_1 x_2 x_3 + x_1 x_2.$$



Le support de chacune des composantes du système dynamique polynomial f permet de tracer le graphe de dépendance.

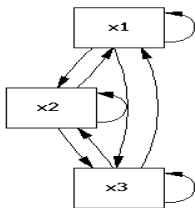


FIGURE: Graphe de dépendance pour $f = (x_1 x_2 x_3 + x_2 x_3, f_2 = x_1 x_2 + x_2 x_3, f_3 = x_1 x_2 x_3 + x_1 x_2)$.



Le graphe des états de transition est

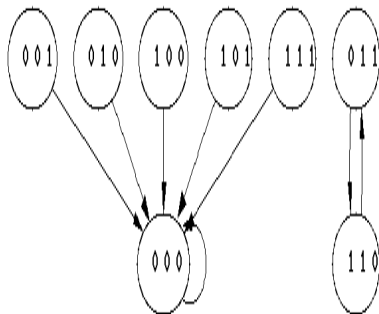


FIGURE: Graphe des états de transition de

$$f = (x_1 x_2 x_3 + x_2 x_3, f_2 = x_1 x_2 + x_2 x_3, f_3 = x_1 x_2 x_3 + x_1 x_2).$$



Notons que sur Cocoa, il nous faut considérer les états \mathbf{s}_1 et \mathbf{s}_2 qui donnent $r_1 = x_3$ et $r_2 = x_2 + x_3$. D'où, en tenant compte de $\mathbf{s}_3 : f = (x_3, x_2, x_2 + x_3)$.

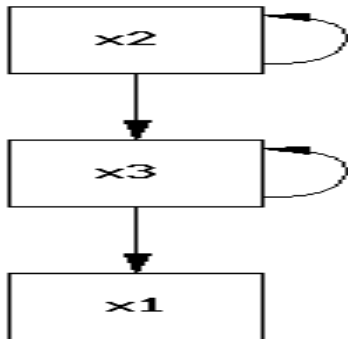


FIGURE: Graphe des interactions de $f = (x_3, x_2, x_2 + x_3)$ pour $n = 3$, $m = 3$ et $p = 2$



Table des matières

- 1 Introduction à l'Ingénierie Inversée
 - Interpolation
 - Base de Gröbner et Idéal de Variété
- 2 Séparateurs Algébriques
 - Modules fondamentaux
 - Séparateurs algébriques
- 3 Système Dynamique Booléen
- 4 Séparateurs algébriques optimaux
 - Exemple
 - Séparateurs Affines



Définitions

Notons l'*ensemble séparateur de \mathbf{s} et \mathbf{t}* deux points distincts de V :

$$S(\mathbf{s}, \mathbf{t}) = \{j \in S \mid s_j \neq t_j\} = \{j \in S \mid p_j(\mathbf{t}) \neq 0\} \quad ,$$

où S est l'ensemble séparateur de V ;



Exemple

Considérons les états $\mathbf{s}_1 = (2, 1, 2)$, $\mathbf{s}_2 = (1, 1, 0)$,
 $\mathbf{s}_3 = (0, 0, 1)$, $\mathbf{s}_4 = (1, 2, 0)$. Nous avons $n = 3$ et $S = \{1, 2, 3\}$.

$$S(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_2) = \{1, 3\} \quad S(\mathbf{s}_2, \mathbf{s}_4) = \{2\}$$

et

$$S(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_3) = S(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_4) = S(\mathbf{s}_2, \mathbf{s}_3) = S(\mathbf{s}_3, \mathbf{s}_4) = \{1, 2, 3\}$$



L'*ensemble initial des polynômes séparateurs de \mathbf{s} et \mathbf{t}*

$$PS(\mathbf{s}, \mathbf{t}) = \{p_{\mathbf{t},j}(\mathbf{x}) \mid j \in S(\mathbf{s}, \mathbf{t})\} \quad ;$$

où $p_{\mathbf{t},j}(\mathbf{x}) = x_j - t_j$;

pour tout $g \in PS(\mathbf{s}, \mathbf{t})$, puisque $j \in S(\mathbf{s}, \mathbf{t})$, nous avons $g(\mathbf{s}) = -p_{\mathbf{t},j}(\mathbf{s})$ ce qui implique que $g(\mathbf{s}) \neq 0$ et donc $g(\mathbf{t}) = 0$; tout produit de séparateur initial de \mathbf{s} et \mathbf{t} est un séparateur de ces deux points.



Exemple d'ensembles initiaux de polynômes séparateurs

$$PS(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_2) = \{x_1 - 1, x_3\}$$

$$PS(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_3) = \{x_1, x_2, x_3 - 1\}$$

$$PS(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_4) = \{x_1 - 1, x_2 - 2, x_3\}.$$



Un *ensemble initial minimal séparant \mathbf{s} dans V* , noté $Min(\mathbf{s}, V)$ est composé d'au plus $m - 1$ polynômes (distincts) g tels que pour chaque $\mathbf{t} \in V$ distinct de \mathbf{s} , il existe un et un seul élément de $Min(\mathbf{s}, V)$ appartenant à $PS(\mathbf{s}, \mathbf{t})$;
pour chaque \mathbf{t} dans V distinct de \mathbf{s} , l'intersection de $Min(\mathbf{s}, V)$ avec $PS(\mathbf{s}, \mathbf{t})$ est réduite à un et un seul élément.



$$S(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_2) = \{1, 3\}, \quad S(\mathbf{s}_2, \mathbf{s}_4) = \{2\}$$

et

$$S(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_3) = S(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_4) = S(\mathbf{s}_2, \mathbf{s}_3) = S(\mathbf{s}_3, \mathbf{s}_4) = \{1, 2, 3\}.$$

$$PS(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_4) = \{x_1 - 1, x_2 - 2, x_3\},$$

$$PS(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_2) = \{x_1 - 1, x_3\} \text{ et } PS(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_3) = \{x_1, x_2, x_3 - 1\}.$$

Voici quelques ensembles initiaux minimaux de \mathbf{s}_1 dans V (on peut tous les énumérer dans un cadre fini) :

$$\{x_1 - 1, x_1\} \quad \{x_1 - 1, x_2\} \quad \{x_3, x_2\}.$$



Theorem

Soit $Min(\mathbf{s}, V)$ un ensemble minimal séparant \mathbf{s} dans V , et soit

$$\mathcal{G} = \prod_{g \in Min(\mathbf{s}, V)} g$$

alors

$$r(\mathbf{x}) = \frac{\mathcal{G}(\mathbf{x})}{\mathcal{G}(\mathbf{s})}$$

est un séparateur pour \mathbf{s} dans V .



$$S(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_2) = \{1, 3\}, \quad S(\mathbf{s}_2, \mathbf{s}_4) = \{2\}$$

et

$$S(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_3) = S(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_4) = S(\mathbf{s}_2, \mathbf{s}_3) = S(\mathbf{s}_3, \mathbf{s}_4) = \{1, 2, 3\}.$$

$$PS(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_4) = \{x_1 - 1, x_2 - 2, x_3\},$$

$$PS(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_2) = \{x_1 - 1, x_3\} \text{ et } PS(\mathbf{s}_1, \mathbf{s}_3) = \{x_1, x_2, x_3 - 1\}.$$

Voici quelques ensembles initiaux minimaux de \mathbf{s}_1 dans V (on peut tous les énumérer dans un cadre fini) :

$$\{x_1 - 1, x_1\} \quad \{x_1 - 1, x_2\} \quad \{x_3, x_2\}.$$



A partir de l'ensemble minimal $\{x_3, x_2\}$ de \mathbf{s}_1 dans V , nous obtenons le polynôme

$$r_1 = \frac{x_2 x_3}{2} = -x_2 x_3$$

valant 1 en \mathbf{s}_1 et 0 ailleurs dans V . C'est le même que celui trouvé par Cocoa.



Notons que les séparateurs obtenus par ce théorème sont de degré $\leq n$ alors que ceux obtenus par le théorème précédent sont de degré $\leq n \cdot \#E$. Par exemple, pour $n = 3$ et $E = \{1, 2\}$, $n \cdot \#E = 6$ et le séparateur de s_1 obtenu par le théorème 1 est

$$r_1 = -x_1(x_1 - 1)(x_2 - 2)x_2x_3(x_3 - 1).$$



En partant de 3 produits de gènes x_1 , x_2 et x_3 appartenant à $\mathbb{Z}/3\mathbb{Z}$ et la séquence de 5 temps suivantes :

$\mathbf{s}_1 = (2, 1, 2)$; $\mathbf{s}_2 = (1, 1, 0)$; $\mathbf{s}_3 = (0, 0, 1)$; $\mathbf{s}_4 = (1, 2, 0)$ et $\mathbf{s}_5 = (0, 0, 1)$, nous obtenons avec Cocoa (méthode de Laubenbacher et Stigler) que les séparateurs de l'espace projectif en les points \mathbf{s}_1 , \mathbf{s}_2 , \mathbf{s}_3 et \mathbf{s}_4 sont respectivement :

$$r_1(x_1, x_2, x_3) = -x_2x_3,$$

$$r_2(x_1, x_2, x_3) = -x_1 - x_2,$$

$$r_3(x_1, x_2, x_3) = x_2x_3 + x_3^2,$$

$$r_4(x_1, x_2, x_3) = x_1x_2 - x_2^2 + x_2x_3.$$



Partant des modules fondamentaux associés respectivement à \mathbf{s}_1 , \mathbf{s}_2 , \mathbf{s}_3 et \mathbf{s}_4 :

$$\mathbf{p}_1 = \{x_1 + 1, x_2 - 1, x_3 + 1\},$$

$$\mathbf{p}_2 = \{x_1 - 1, x_2 - 1, x_3\},$$

$$\mathbf{p}_3 = \{x_1, x_2, x_3 - 1\},$$

$$\mathbf{p}_4 = \{x_1 - 1, x_2 + 1, x_3\}.$$



Nous obtenons avec la méthode algébrique la même chose pour le premier séparateur :

$$r_1(x_1, x_2, x_3) = -\mathbf{x_2x_3},$$

$$r_2(x_1, x_2, x_3) = -x_1 - x_2,$$

$$r_3(x_1, x_2, x_3) = x_1x_3 + x_3,$$

$$r_4(x_1, x_2, x_3) = -x_2^2 + x_2.$$



Les ensembles initiaux des polynômes séparateurs de s_4 sont

$$PS(\mathbf{s}_4, \mathbf{s}_1) = \{x_1 - 2, x_2 - 1, x_3 - 2\}$$

$$PS(\mathbf{s}_4, \mathbf{s}_2) = \{x_2 - 1\} \quad PS(\mathbf{s}_4, \mathbf{s}_3) = \{x_1, x_2, x_3 - 1\}.$$



Notons que nous obtenons beaucoup de choix de manière presque naturelle. Par exemple, des séparateurs de s_3 dans V sont $\{-x_1^2 + 1, -x_2x_3 + x_3, x_1x_3 + x_1 - x_3 + 2, x_1x_3 + x_3, -x_2^2 + 1, x_1x_2 - x_1 - x_2 + 1, -x_3^2 - x_3, \dots\}$ et des séparateurs de s_4 dans V sont $\{x_1x_2 - x_1, -x_2x_3 + x_2 + x_3 + 2, \dots\}$.



Conclusion

Aussi, nous obtenons plusieurs candidats possibles aux Systèmes dynamiques polynomiaux dont notamment

$$f = (x_1 x_3 - x_2 x_3 + x_3, -x_1 x_3 - x_2 x_3 - x_3, -x_2^2 - x_1).$$



$\mathbf{s}_1 = (2, 1, 2)$, $\mathbf{s}_2 = (4, 4, 0)$, $\mathbf{s}_3 = (3, 3, 1)$, $\mathbf{s}_4 = (1, 2, 3)$;
 $S = \{1, 2, 3, 4\}$. Nous additionnons, par exemple, d'abord les
 générateurs 2-à-2 ($p_{i,j} + p_{i,k}$) puis les soustrait ($p_{i,j} - p_{i,k}$), puis
 $2p_{i,j} + p_{i,k}$, etc ... puis on passe à $p_{i,1} + p_{i,2} + p_{i,3}$; Par exemple

$$\begin{aligned} \mathfrak{M}_{\mathbf{s}_1} &= \langle x_1 + 3, x_2 + 4, x_3 + 3 \rangle \\ CL(\mathbf{s}_1) &= \{0, 2x_1 + 3x_2 + x_3 + 1, 3x_1 + 2x_2 + 3x_3 + 1, 3x_1 - x_2 + x_3 + 3, \dots, \\ &\quad x_2 - x_3 + 1, x_1 + x_2 + 2x_3 + 3, 3x_1 + 2x_2 + 2, \dots, \mathbf{2x_1 + 2x_2 - 1}, \dots\} \\ \mathfrak{M}_{\mathbf{s}_2} &= \langle x_1 + 1, x_2 + 1, x_3 \rangle \\ CL(\mathbf{s}_2) &= \{-x_2 + 4, -x_1 - x_2 - x_3 + 3, 3x_1 + 2x_2 + 3x_3, 3x_1 - x_2 + x_3 + 2, \\ &\quad -x_1 - x_3 + 4, 3x_1 + x_3 + 3, 2x_1 + x_2 + x_3 + 3, x_1 + x_2 + 3x_3 + 2, \\ &\quad 3x_1 + x_2 + 2x_3 + 4, x_1 + 3x_2 + x_3 + 4, \mathbf{2x_1 + 2x_2 - 1}, 2x_1 + 2x_2 + 3x_3 + 4, \dots\} \\ \mathfrak{M}_{\mathbf{s}_3} &= \langle x_1 + 2, x_2 + 2, x_3 + 4 \rangle \\ CL(\mathbf{s}_3) &= \{-x_2 + 3, 3x_1 + 3x_2 + 2, 3x_1 + 2x_2 + 3x_3 + 2, 3x_1 - x_2 + x_3 + 3, \\ &\quad \dots, x_1 - x_2 + 3x_3 + 2, x_1 + 3x_3 + 4\} \\ \mathfrak{M}_{\mathbf{s}_4} &= \langle x_1 + 4, x_2 + 3, x_3 + 2 \rangle \\ CL(\mathbf{s}_4) &= \{-x_1 - x_2 - x_3 + 1, 3x_1 - x_2 + x_3 + 1, -x_1 - x_3 + 4, 3x_1 + 2x_2 + 3x_3 + 4, \\ &\quad \mathbf{2x_1 + 2x_2 - 1}, x_1 + 3x_3, 3x_1 + 3x_2 + x_3 + 3, -x_2 + 2 \dots\} \end{aligned}$$



Nous trouvons rapidement le séparateur $2x_1 + 2x_2 - 1$ de s_3 que l'on peut aussi retrouver par une identification linéaire. $r_3 = 2x_1 + 2x_2 - 1$ est un élément de $(\cap_{i \neq 3} CL(\mathbf{s}_i))$ qui n'appartient pas à $CL(\mathbf{s}_3)$. Dans cet exemple il n'est pas possible de trouver des séparateurs affines de s_1 , s_2 et s_4 . D'une façon générale,

$$r_j \in \cap_{i \neq j} \mathcal{M}_{\mathbf{s}_i}$$

et

$$r_j \notin \mathcal{M}_{\mathbf{s}_j}$$

pour tout séparateur r_j de \mathbf{s}_j dans V .

